

АНОТАЦІЯ

Одними з найбільш імпозантних декоративних квіткових рослин є гладіолуси. За багатством колірних відтінків гладіолуси не мають собі рівних серед інших квіткових культур, що вирощуються на зріз. Серед різних патогенів саме віруси відіграють найважливішу роль в погіршенні декоративної якості квітів та зменшення видового різноманіття. У насадженнях гладіолусів вірусна інфекція, як правило, поширюється дуже швидко та викликає значні втрати.

У роботі було проаналізовано насадження гладіолусів (сорту 'Чарівність'), що вирощувалися у відкритому ґрунті Полтавській області, на наявність фітопатогенів вірусної етіології. Відбір зразків та їх аналіз проводились впродовж 2017-2019 рр. У роботі було використано класичні вірусологічні та молекулярно-біологічні методи. Обробка даних та побудова філогенетичних дерев для визначення штамової приналежності українських ізолятів проводилися за допомогою програми MEGA7.

Ідентифікацію вірусів здійснювали за допомогою методу рослин індикаторів, імуноферментного аналізу з використанням комерційних сироваток до ВМГ, ВОМ, ВПГ, ВМoТ, ВМК – 2. У зразках рослин гладіолусів методом електронної мікроскопії виявлено сферичні вірусоподібні частки діаметром близько 28-30 нм.

За біологічними, серологічними, морфологічними та молекулярно-біологічними властивостями виявленим вірусом є вірус огіркової мозаїки.

Філогенетичний аналіз показав, що полтавський ізолят ВОМ, виділений з гладіолусу, є найбільш подібним з ізолятами, виділеними з овочевих культур України, Китаю, Кореї, Італії та Японії.

Кваліфікаційна робота/проект викладена на 62 сторінках, ілюстрована 2 таблицями та 9 рисунками. Список використаних джерел включає 50 робіт.

Ключові слова: гладіолуси, вірус огіркової мозаїки, філогенетичний аналіз.