

АНОТАЦІЯ

Був проведений філогенетичний аналіз ділянки геному NІb/СР українських ізолятів вірусу жовтої мозаїки цукіні (ZYMV) за моно- і змішаних інфекцій. Із агроценозів центральних областей України були відібрані рослини родини *Cucurbitaceae* із вірусоподібними симптомами, що характерні для ZYMV, та був проведений аналіз на наявність ZYMV методами ІФА та ПЛР. Також була показана присутність вірусу мозаїки огірка (СMV) та вірусу мозаїки гарбуза (WMV) у стані ко-інфекції із ZYMV. Ампліфіковані у ході ПЛР ділянки геному NІb/СР ZYMV були просеквеновані, а їх послідовності проаналізовані біоінформатично для виявлення відсотку ідентичності між новими та вже відомими українськими ізолятами, а також ізолятами із інших частин світу, побудови філогенетичного дерева, аналізу еволюційних подій методом молекулярного годинника та порівняння точкових мутацій ZYMV за моно- та змішаних інфекцій. У результаті аналізу було показано, що українські ізоляти ZYMV належать до кластера А підкластера 1 ZYMV, вони відділилися від інших європейських ізолятів на початку 20 ст., а тиск негативного добору за змішаної інфекції знижується порівняно із моноінфекцією. Отримані дані є новими у філогенії вірусів та можуть у майбутньому бути використані, щоб прослідкувати географічне розповсюдження вірусу, що дозволить розробити програми контролю поширення ZYMV.

Кваліфікаційна робота викладена на 62 сторінках та ілюстрована 17 рисунками. Список використаних джерел включає 67 робіт.

Ключові слова: вірус жовтої мозаїки цукіні, NІb/СР, моноінфекція, змішана інфекція, філогенетичний аналіз.