

## АНОТАЦІЯ

Грип залишається однією з актуальнішою глобальною інфекцією, яка щорічно викликає епідемії різної інтенсивності та тривалості в більшості країн світу, і є однією з небагатьох інфекцій щодо якої зберігається реальна загроза виникнення пандемії.

У структурі загальної інфекційної патології частка грипу та гострих респіраторних інфекцій (ГРІ) становить 95-97%. Щорічно на грип хворіє від 4 до 15% населення світу, а помирає від грипу та ускладнень 250-450 тис. осіб.

Метою нашої роботи було проаналізувати особливості епідемічного процесу грипу типу А в Україні за декілька останніх епідемічних сезонів.

За допомогою серологічних, молекулярно-генетичних та епідеміологічних методів дослідження було встановлено, що протягом епідемічних сезонів грипу 2018-2020 років зареєстрована одночасна циркуляція генетичних варіантів трьох збудників грипу – А (H1N1)pdm09, (H3N3) та В/Victoria у різному відсотковому співвідношенні. В епідемічному сезоні 2018-2019 рр. серед виділених 99 ізолятів вірусів грипу зі зразків від хворих переважна більшість -56 ізолятів ( 56,6% ) належали до субтипу А (H3N2), 41 ізолят ( 41,4% ) – до субтипу А (H1N1)pdm09 та 2 ізоляти (2%) – А несубтипований. За епідемічний сезон 2019-2020 рр. серед 90 виділених ізолятів вірусу грипу 60 належала до вірусів грипу типу А(H1N1)pdm09. Таким чином, щосезону відбувалась зміна провідного збудника епідемії.

Кваліфікаційна робота викладена на 42 сторінках, ілюстрована 11 рисунками та двома таблицями. Список використаних джерел включає 41 роботи.

**Ключові слова:** вірус грипу, грипоподібні захворювання, тяжкі гострі респіраторні захворювання, епідемічний сезон, дозорний епідеміологічний нагляд.