

АНОТАЦІЯ

Епідемії грипу супроводжуються залученням до епідемічного процесу значних мас населення, завдаючи здоров'ю людей серйозної шкоди, а державі – значних економічних збитків. Випадки захворювання на грип реєструються у різних країнах, на різних континентах земної кулі протягом усього року, оскільки висока чутливість людей до грипу і постійна антигенна мінливість збудника безперервно приводять до локальних спалахів, епідемій і пандемій. Епідемії грипу супроводжуються не лише зростанням рівнів захворюваності, але й підвищенням загальної смертності від загострення хронічних захворювань та смертності від пневмоній, спричинених грипом.

Метою роботи було встановити етіологічну структуру популяції вірусів грипу останніх епідемічних сезонів в Україні.

За допомогою серологічних, молекулярно-генетичних та епідеміологічних методів дослідження було встановлено, що в епідемічному сезоні 2016-2017 рр. серед виділених 168 ізолятів вірусів грипу зі зразків від хворих переважна більшість -109 (65%) належала до підтипу А(Н3N2), а саме – штаму А/Гонконг/4801/2014, що був провідним збудником епідемії у останньому сезоні. За епідемічний сезон 2017 – 2018 рр. серед 258 виділених ізолятів вірусу грипу – 206 (80%) належала до вірусів грипу типу В.

Кваліфікаційна робота викладена на 44 сторінках, ілюстрована 6 рисунками та однією таблицею. Список використаних джерел включає 43 роботи.

Ключові слова: вірус грипу, штам, епідемічний сезон, етіологічна структура, моніторинг.