

АНОТАЦІЯ

Молекулярно-генетичними, біохімічними, методами проаналізовано відносне вірусне навантаження при зараженні штамами SARS-CoV-2, такими як: Alfa-штам, Beta-штам, Gamma-штам та Delta-штам. У скринінгових дослідженнях виявлено по 4 зразки з різними штамами, наведеними вище, з відносно однаковим терміном перебігу хвороби у 20 пацієнтів.

Проаналізовано криві ампліфікації відповідно до точки їх перетину «трешхолду» для створення шкали відносного вірусного навантаження в залежності від циклу початку накопичення продуктів реакції ЗТ-ПЛР.

Встановлено, що значення відносного вірусного навантаження у кожного з досліджуваних штамів близьке за розміром, що засвідчує про зв'язок між виявленим варіантом SARS-CoV-2 та кількістю створеного ним біоматеріалу в організмі хазяїна.

Визначено, що найбільш вірулентним штамом з досліджуваних є Delta, відповідно на другому місці варіант Alpha, та далі Gamma та Beta. Підкреслено, що відносне вірусне навантаження прямо корелює з кількістю випадків в світі та смертністю від відповідного варіанту вірусу.

Кваліфікаційна робота викладена на 50 сторінках, ілюстрована 3 таблицями та 5 графіками. Список використаних джерел включає 69 робіт.

Ключові слова: SARS-CoV-2, вірусне навантаження, мутації, ЗТ-ПЛР.