АНОТАЦІЯ

Молекулярно-біологічними та статистичними методами проведено оцінку мінливості пінгвінів дженту (*Pygoscelis papua*) за допомогою молекулярно-біологічних маркерів. Пінгвіни – це важлива складова антарктичної екосистеми, і на сьогодні дослідження їхньої біології – одна з актуальних проблем антарктичних досліджень міжнародних спільнот. У першу чергу це стосується проблем розповсюдження видів та їхньої генетичної мінливості.

Таким чином, на основі RAPD-аналізу знайдено наступні рівні поліморфізму між особинами пінгвінів дженту острова Пітерманн і між пінгвінами острова Лівінгстон: від 38 до 52 % відповідно. UPGMA-дендрограма згрупувала пінгвінів дженту зазначених островів в один основний кластер із незначними винятками, що дає підстави для віднесення їх до одного підвиду (*Pygoscelis papua ellsworthi*). Уперше було визначено максимальну (приблизно 9000 п.н.) та середню довжину теломер пінгвінів дженту: приблизно 5950±1537 п.н. для дорослих особин та 8100±949,1 п.н. для пташенят.

Отже, у роботі було одержано молекулярно-біологічні підходи для швидкого та надійного визначення як молекулярно-генетичного різноманіття (RAPD-маркери), так і віку пінгвінів за довжиною теломер.

Кваліфікаційна робота викладена на 46 сторінках, ілюстрована 2 таблицями, 1 гістограмою та 9 рисунками. Список використаних джерел включає 43 роботи.

Ключові слова: пінгвіни дженту (*Pygoscelis papua*), вектор pUC19, RAPD-ПЛР, поліморфізм, довжина теломер.