# АНОТАЦІЯ

Методами молекулярного аналізу та аналізом *in silico* досліджено послідовності ITS-1 та ITS-2 у рослин *M.* × *giganteus*.

Аналіз виявив часті варіації, такі як однонуклеотидні поліморфізми, інсерції та делеції в послідовностях ITS-1 та ITS-2 рослин *M.* × *giganteus*, *M. sinensis* та *M. sacchariflorus*, які доступні в онлайн-базі даних. Порівняння дослідних рослин *M.* × *giganteus* з референтними послідовностями показало узгодженість в областях ITS-1, тоді як відмінності в послідовності ITS-2, ймовірно, пов'язані з підбором праймерів. Крім того, генетичний аналіз показав, що різні рослини *M.* × *giganteus* є не клонами, а окремими особинами, що підкреслює генетичну різноманітність виду.

Кваліфікаційна робота викладена на 46 сторінках, ілюстрована 3 таблицями та 5 рисунками. Список використаних джерел включає 46 робіт.

**Ключові слова**: *Miscanthus* × *giganteus*, *Miscanthus*, ITS-1, ITS-2, стерильний гібрид, триплоїдний гібрид